

<b>CAHIER DES CHARGES</b>
---------------------------

Le projet se décompose en 2 parties distinctes à traiter en parallèle.

## 1. Bio

5 semaines	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Création d'un modèle biologique plus complet de la cellule endothéliale, afin d'étudier son rôle et ses caractéristiques dans la contraction des cellules musculaire lisse vasculaire.</li> <li>* Création d'un schéma reflétant le contenu du fichier <i>cell_endo.sbml</i> et donc des différentes réactions biologiques modélisés.</li> <li>* Description des réactions -&gt; 1 livrable (schéma + description)</li> </ul>
5 semaines	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Tester le modèle et le comparer avec les résultats du biologiste. -&gt; 2 livrables (programme + doc)</li> <li>-&gt; Document final : Explication du modèle implémenté et comparaison des résultats</li> </ul>

## 2. 3D + IHM

1 semaine	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Effectuer la transition entre la version libBio -&gt; ReISCOP (changement de nom d'une classe) -&gt; 1 livrable (nouveau diagramme de classe + code)</li> </ul>
2 semaines	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Etablir les fonctionnalités du logiciel (choix IHM, intégration libBio...)</li> <li>3D : Visualisation des concentrations des espèces en nuage de point</li> <li>IHM : Permettre le choix des concentrations à visualiser à l'aide d'un menu</li> <li>-&gt; 1 livrable (Intégration dans la libBio avec diagrammes de cas et d'activité)</li> </ul>
4 semaines	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Conception; Diagramme de classe/activité/sequences -&gt; 1 livrable (Rôle et fonctionnalité détailler de chaque élément de IHM et 3D)</li> </ul>
4 semaines	<ul style="list-style-type: none"> <li>* Développement et tests -&gt; 1 livrable (libBio Final)</li> </ul>